

## ارزیابی اثر متقابل ژنوتیپ در محیط، پایداری و برخی از پارامترهای ژنتیکی در تعدادی از ژنوتیپ‌های برنج

پیمان شریفی\* و هاشم امین پناه

دانشیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، واحد رشت، دانشگاه آزاد اسلامی، رشت

(تاریخ دریافت: ۱۳۹۵/۰۱/۳۱ - تاریخ پذیرش: ۱۳۹۵/۰۶/۰۹)

### چکیده

به منظور بررسی پایداری عملکرد دانه، اثرات متقابل ژنوتیپ × محیط و برآورد برخی از پارامترهای ژنتیکی مرتبط با عملکرد دانه و اجزای آن، هفت لاین امیدبخش برنج به همراه ارقام شیروودی و لاین ۸۴۳، در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در ۳ تکرار در ۳ منطقه استان مازندران (تنکابن، آمل و ساری) طی سال‌های زراعی ۱۳۹۲-۱۳۹۰ مورد ارزیابی قرار گرفتند. تجزیه واریانس عملکرد دانه حاکی از تفاوت‌های ژنتیکی بین ژنوتیپ‌ها در اکثر محیط‌ها بود. تجزیه واریانس مرکب نشان داد که اختلاف معنی‌داری بین سال‌ها و مکان‌ها وجود نداشت، در حالی که اثر متقابل سال × مکان × ژنوتیپ برای عملکرد دانه، ارتفاع بوته و وزن هزار دانه معنی‌دار بود. نتایج تجزیه پایداری ژنوتیپ‌ها با روش‌های تک‌متغیره نشان داد که لاین شماره ۶، با توجه به دارا بودن واریانس درون مکانی پایین، ضریب تغییرات پایین و عملکرد بالا (۶۰۲۰/۸ کیلوگرم در هکتار) پایدارترین ژنوتیپ بود. بالا بودن ضرایب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی در صفات مورد مطالعه به وجود تنوع ژنتیکی برای تمام صفات مورد مطالعه دلالت داشت. میزان وراثت‌پذیری عمومی دارای دامنه‌ای از ۰/۶۴۹٪ (ارتفاع بوته) تا ۰/۹۲٪ (تعداد دانه پر) بود که مقدار آن برای عملکرد دانه ۵۹/۹۶ بود. بالاترین میزان ضرایب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی، وراثت‌پذیری عمومی و سود ژنتیکی بر میانگین کل مربوط به صفت تعداد دانه پر در خوشه بود. بنابراین می‌توان به روش انتخاب برای بهبود این صفت امید داشت و از آن به عنوان یک معیار انتخاب برای بهبود عملکرد دانه بهره جست. در مجموع، ژنوتیپ ۶ می‌تواند به‌عنوان ژنوتیپ برتر انتخاب و در آزمایش‌های به‌زراعی به منظور دستیابی به یک رقم پاکوتاه و با عملکرد پایدار استفاده شوند.

**واژگان کلیدی:** اثر ژن، اثر متقابل ژنوتیپ × محیط، پایداری عملکرد، سود ژنتیکی، وراثت‌پذیری

\* نویسنده مسئول، آدرس پست الکترونیکی: sharifi@iaurasht.ac.ir

## مقدمه

برنج (*Oryza sativa* L.) یکی از مهمترین گیاهان زراعی دنیا است که سطح وسیعی از اراضی زراعی قابل کشت را به خود اختصاص داده است. با وجود آنکه در مناطقی از کشور، زراعت برنج رایج است، هنوز مقدار قابل توجهی از مصرف داخلی برنج از طریق واردات تأمین می‌شود (Anonymous, 2015). از این رو با معرفی واریته‌های جدید و پرمحصول به همراه اعمال روش‌های مناسب به‌زراعی می‌توان کشور را در زمینه تولید برنج به خودکفائی نزدیک نمود.

انتخاب ژنوتیپ‌ها بر اساس عملکرد در یک محیط معیار مناسبی نمی‌باشد، بنابراین واریته‌ها باید حتی‌الامکان در دامنه وسیع و متنوعی از تغییرات محیطی (مکان‌ها و سال‌های مختلف) مورد ارزیابی قرار گیرند. عکس‌العمل ارقام مختلف گیاهان زراعی از جمله برنج نسبت به شرایط مختلف محیطی مانند دما، نور، میزان بارندگی و غیره متفاوت است و از آنجا که شرایط محیطی قابل کنترل نیستند و در نقاط مختلف یک منطقه نیز تفاوت بسیاری دارند، انجام آزمایش‌های مقایسه عملکرد جهت دستیابی به ارقامی با کیفیت و کمیت بالا و سازگار و پایدار در مناطق مختلف از اهمیت خاصی برخوردار است (Kocheiki, 1997). بنابراین، ارقامی که کمترین واکنش را به شرایط محیطی نشان دهند و در واقع اثرات متقابل ژنوتیپ در محیط کوچکتری داشته باشند، توسط به‌نژادگران انتخاب می‌شوند (Pawar and Singh, 2010). برای تعیین ژنوتیپ‌های پایدار، ژنوتیپی که عملکرد مناسبی در واکنش به پتانسیل تولیدی محیط مورد آزمایش نشان می‌دهد، روش‌های متعددی ارائه گردیده‌اند که شامل روش‌های تجزیه واریانس، تجزیه رگرسیون، چند متغیره و غیرپارامتری می‌باشند (Mahfoozi et al., 2009).

محققین متعددی اثرات متقابل ژنوتیپ×محیط را در برنج بررسی کرده‌اند و اثر متقابل معنی‌دار ژنوتیپ در محیط را برای عملکرد دانه در برنج گزارش کرده‌اند (Tarang et al., 2013; Mohaddesi et al., 2013; Rahim Soroush et al., 2007; Momenyazadeh et al., 2015; Lestari et

al., 2010; Gravios et al., 1991; Lalbachan, 1994; Yan et al., 2002). همچنین تعدادی از محققین با استفاده از روش‌های مختلف مانند پارامترهای تک‌متغیره شامل واریانس درون مکانی، ضریب رگرسیون و ضریب تغییرات درون مکانی (Honarnejad et al., 1998; Nahvi et al., 2002; Rahim Soroush, 2005; Abdollahi Mobarhan, 1996; Mahalingam et al., 2013; Dushyantha Kumar et al., 2011; Parmar et al., 2016; Biswas et al., 2012; Sedghi-Azar et al., 2008; Mosavi et al., 2013; Dewi et al., 2014; Somsana et al., 2013)، روش اثرات اصلی افزایشی و اثرات متقابل غیر افزایشی یا ضرب‌پذیر (AMMI; Additive Main effects and Multiplicative Interaction) (Maji et al., 2015; Akter et al., 2015; Seyou et al., 2016; Torres and Henry, 2016; اثر متقابل ژنوتیپ در محیط (GGE; Genotype plus Genotype-Environment interaction) (Balestre et al., 2010; Khatun et al., 2015); اقدام به ارزیابی پایداری ژنوتیپ‌های مختلف برنج نموده‌اند. برای ارزیابی پارامترهای ژنتیکی نظیر وراثت‌پذیری، ضرایب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی و سود ژنتیکی نیز مطالعات متعددی انجام شده است و وراثت‌پذیری عمومی پایین برای عملکرد دانه و متوسط برای وزن صد دانه و طول دانه (Nassir and Alawode, 2016)، ضرایب تنوع ژنوتیپی و فنوتیپی و وراثت‌پذیری بالا برای تعداد دانه پر در خوشه و عملکرد دانه در بوته (Rukmini Devi et al., 2016; Tuhina-Khatun et al., 2015)، وراثت‌پذیری و سود ژنتیکی بالا بر میانگین برای صفات مساحت برگ پرچم، تعداد دانه‌های پر در خوشه، طول و عرض دانه و وزن صد دانه (Islam et al., 2016) و ضرایب تنوع فنوتیپی و ژنوتیپی و وراثت‌پذیری بالا برای عملکرد دانه، تعداد پنجه بارور و تعداد دانه پوک و وراثت‌پذیری توأم با سود ژنتیکی بالا بر میانگین برای وزن هزار دانه (Bitew et al., 2016) گزارش شده است.

هدف از تحقیق حاضر، انتخاب و معرفی لاین یا لاین‌های پایدار با عملکرد بالا، ارزیابی تغییرات عملکرد و اجزای عملکرد در لاین‌های امیدبخش، برآورد برخی از

وراثت‌پذیری عمومی (Broad sense heritability) از طریق رابطه زیر محاسبه شد (Hanson et al., 1956):

$$H^2 = \frac{\sigma_g^2}{\sigma_p^2} \times 100 \quad \text{رابطه (۲)}$$

ضرایب تنوع فنوتیپی (PCV; Phenotypic coefficient of variability) و ژنوتیپی (GCV; Genotypic coefficient of variability) با استفاده از فرمول زیر محاسبه شد (Hanson et al., 1956):

$$GCV(\%) = \frac{\sigma_g}{\bar{X}} \times 100 \quad \text{رابطه (۳)}$$

$$PCV(\%) = \frac{\sigma_p}{\bar{X}} \times 100 \quad \text{رابطه (۴)}$$

که در آن،  $\sigma_g$  و  $\sigma_p$  به ترتیب انحراف معیار ژنوتیپی و فنوتیپی و  $\bar{X}$  میانگین هر کدام از صفات می‌باشند.

میزان سود ژنتیکی (Genetic advance) جهت انتخاب ۵٪ از نتاج برتر با استفاده از فرمول زیر محاسبه گردید (Roy, 2000):

$$GA = ih^2 \sigma_p \quad \text{رابطه (۵)}$$

که در آن،  $i$ : شدت انتخاب؛  $h^2$ : وراثت‌پذیری عمومی؛  $\sigma_p$ : انحراف استاندارد فنوتیپی می‌باشند. میزان  $i$  برای شدت انتخاب ۵٪، برابر با ۲/۰۶ در نظر گرفته شد.

همچنین میزان سود ژنتیکی بر میانگین (Genetic advance over mean) با استفاده از رابطه زیر محاسبه شد (Roy, 2000):

$$GMA = \frac{GA}{\bar{X}} * 100 \quad \text{رابطه (۶)}$$

که در آن، GA: سود ژنتیکی و  $\bar{X}$  میانگین هر کدام از صفات میانگین کل (میانگین هر صفت برای تمام ژنوتیپ‌ها در تمام مکان‌ها) می‌باشند.

ضریب همبستگی ژنوتیپی (Genotypic correlation coefficient) برای هر جفت از صفات از طریق فرمول زیر محاسبه گردید (Falconer, 1989):

$$r_{gij} = \frac{\sigma_{gij}}{\sqrt{\sigma_{g_i}^2 \times \sigma_{g_j}^2}} \quad \text{رابطه (۷)}$$

پارامترهای ژنتیکی و نهایتاً محاسبه روابط بین صفات از طریق همبستگی ژنتیکی در ۹ ژنوتیپ برنج در مناطق مختلف استان مازندران می‌باشد.

## مواد و روش‌ها

تعداد ۷ لاین پیشرفته برنج منتخب، با دارا بودن ویژگی‌های مطلوب زراعی (کمی و کیفی)، از آزمایش مقایسه عملکرد مقدماتی سال زراعی ۱۳۹۰-۱۳۸۹، به همراه ارقام ۸۴۳ و شیرودی به عنوان شاهد (جمعاً ۹ ژنوتیپ) در سه منطقه تنکابن، آمل و ساری در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار به مدت ۳ سال، در طی سال‌های زراعی ۱۳۹۰-۱۳۹۲ مورد ارزیابی قرار گرفتند (جدول ۱).

مساحت هر کرت ۲۰ متر مربع بود و نشاکاری با فاصله ۲۵×۲۵ سانتی‌متر در مرحله ۵-۴ برگی انجام گردید. میزان کود مصرفی در زمین اصلی ۲۵۰ کیلوگرم اوره به همراه ۱۰۰ کیلوگرم فسفات آمونیوم بود که نصف کود اوره و تمامی فسفات آمونیوم در زمان آخرین شخم و مابقی اوره در زمان تشکیل اولین جوانه خوشه مصرف گردید. در طول فصل رشد یادداشت‌برداری‌های لازم از ارتفاع بوته، تعداد پنجه، تعداد دانه پر، تعداد کل دانه، وزن هزار دانه و طول خوشه انجام شد. برای محاسبه عملکرد با حذف حاشیه، برداشت محصول از مساحتی معادل ۱۵ متر مربع انجام گرفت و سپس عملکرد شلتوک بر حسب کیلوگرم در هکتار با رطوبت ۱۴ درصد محاسبه شد.

برای محاسبه واریانس فنوتیپی و ژنوتیپی از رابطه زیر استفاده گردید (Hanson et al., 1956):

$$\sigma_p^2 = \sigma_g^2 + \sigma_{gl}^2 / ry + \sigma_{gy}^2 / rl + \sigma_{gly}^2 / r + \sigma_e^2 / rly \quad \text{رابطه (۱)}$$

که در آن،  $g$ ،  $l$ ،  $y$  و  $r$  به ترتیب تعداد ژنوتیپ، مکان، سال و تکرار می‌باشد.  $\sigma_p^2$ ،  $\sigma_g^2$ ،  $\sigma_{gl}^2$ ،  $\sigma_{gy}^2$  و  $\sigma_{gly}^2$  نیز به ترتیب واریانس فنوتیپی، ژنوتیپی، اثرمتقابل ژنوتیپ×مکان×سال، ژنوتیپ×سال و ژنوتیپ×مکان می‌باشند.

جدول ۱- مشخصات ژنوتیپ‌های برنج مورد مطالعه

Table 1. Characteristics of studied rice genotypes

| شماره ژنوتیپ<br>Genotype<br>code | والدین<br>Parents  | آمیلاز (%)<br>Amylose (%)<br>(Juliano, 1971) | برنج سالم (%)<br>Head Rice (%) | منشأ<br>Origin |
|----------------------------------|--|--|--------------------------------|----------------|
| G1                               | [Shiroudi × Khazar (1001)]10                             | 22.5   | 56.37                          | Iran           |
| G2                               | [IR 64669-153-2-3-(A8948) × (4 Surinam × Deylamani)]2    | 19.29  | 52.84                          | Iran           |
| G3                               | [IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Amol3 × Ramzanalitarom)]47  | 21.72  | 54.56                          | Iran           |
| G4                               | [IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Amol3 × Ramzanalitarom)]107 | 18.5   | 55.44                          | Iran           |
| G5                               | [IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Amol3 × Ramzanalitarom)]121 | 22.14  | 51.44                          | Iran           |
| G6                               | [IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Amol3 × Ramzanalitarom)]126 | 21.91  | 56.27                          | Iran           |
| G7                               | [IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Amol3 × Ramzanalitarom)]39  | 21.01  | 53.54                          | Iran           |
| G8                               | 843 (check variety)                                      | 22.17  | 58.53                          | Iran           |
| G9                               | Shiroudi (check variety)                                 | 21.4   | 59.92                          | Iran           |

نتایج تجزیه واریانس ساده در سه مکان و طی سه سال در جدول ۲ درج گردیده است. در تمام مکان‌ها به جزء تنکابن در سال اول و سوم و همچنین ساری در سال سوم، اثر ژنوتیپ معنی‌دار بود و به عبارتی بین ژنوتیپ‌ها از نظر عملکرد اختلاف معنی‌دار وجود داشت. با توجه به معنی‌دار بودن اثر ژنوتیپ در اکثر محیط‌های آزمایشی، آزمون بارتلت برای بررسی همگنی واریانس خطاهای آزمایشی در محیط‌های مختلف انجام شد و نتایج حاکی از عدم وجود اختلاف معنی‌دار بین واریانس خطاها در آزمایش‌های جداگانه برای عملکرد دانه بود ( $P=0/1291$ ;  $\eta^2=12/53$ ). لذا با توجه به یکنواختی واریانس خطاهای آزمایشی، تجزیه واریانس مرکب برای عملکرد دانه با فرض تصادفی بودن سال‌ها و مکان‌ها و ثابت بودن ژنوتیپ‌ها انجام شد (جدول ۳). نتایج تجزیه مرکب حاکی از آن بود که اثرات اصلی سال و مکان و اثر متقابل ژنوتیپ × سال برای هیچکدام از صفات مورد مطالعه معنی‌دار نشد. اثر متقابل سال × مکان برای صفات تعداد پنبه در بوته، ارتفاع بوته، طول خوشه و تعداد کل دانه و دانه پر در خوشه معنی‌دار شد. اثر ژنوتیپ برای تمام صفات مورد مطالعه به جزء ارتفاع بوته و وزن هزار دانه معنی‌دار شد که بیانگر وجود اختلافات ژنتیکی بین ژنوتیپ‌ها است. اثر متقابل ژنوتیپ × مکان فقط برای عملکرد دانه معنی‌دار بود، که نشان می‌دهد ژنوتیپ‌ها واکنش‌های متفاوتی به عواملی مانند خواص فیزیکی و

که در آن،  $\sigma_{gij}$ : کواریانس ژنوتیپی بین دو صفت و  $\sigma_{g_j}^2$  و  $\sigma_{g_i}^2$  واریانس ژنوتیپی هر کدام از صفات می‌باشند. کواریانس و واریانس‌های ژنوتیپی به روش کمترین مربعات (Least Square) برآورد گردید.

برای تعیین پایداری ژنوتیپ‌های مورد بررسی در این تحقیق از پارامترهای تک‌متغیره شامل واریانس درون مکانی ( $MS_{y1}$ )، ضریب رگرسیون ( $b_i$ ) (Eberhart and Russell, 1966) و ضریب تغییرات درون مکانی ( $CV_i$ ) (Lin and Binns, 1988) استفاده شد. معنی‌دار بودن پارامتر پایداری ضریب رگرسیون ( $b_i=1$ ) از طریق آزمون  $t$  انجام شد.

آزمون همگنی خطاهای آزمایشی به وسیله آزمون بارتلت با فرض تصادفی بودن سال و مکان و ثابت بودن ژنوتیپ صورت گرفت. با توجه به فرض تصادفی بودن اثر سال و مکان و ثابت بودن اثر ژنوتیپ، مدل خطی تجزیه واریانس، یک مدل مختلط (Mixed) بود که در آن، واریانس‌ها بر اساس امیدریاضی منابع تغییرات آزمون شدند.

تجزیه مرکب و مقایسه میانگین تیمارها با استفاده از روش LSD در سطح احتمال ۵ درصد انجام شد. همبستگی بین صفات و تجزیه خوشه‌ای به روش وارد و معیار فاصله مربع اقلیدسی با نرم‌افزار SAS انجام پذیرفت.

## نتایج و بحث

جدول ۲- تجزیه واریانس عملکرد ارقام برنج در سه منطقه و سه سال

Table 2- analysis of variance for rice genotypes grain yield in three locations and years

| Source of variation | منابع تغییرات    | درجه آزادی df | میانگین مربعات (MS)     |             |                        |                       |                        |                        |                        |                       |                         |
|---------------------|------------------|---------------|-------------------------|-------------|------------------------|-----------------------|------------------------|------------------------|------------------------|-----------------------|-------------------------|
|                     |                  |               | سال اول (First year)    |             |                        | سال دوم (Second year) |                        |                        | سال سوم (Third year)   |                       |                         |
|                     |                  |               | تنکابن<br>Tonekabon     | آمل<br>Amol | ساری<br>Sari           | تنکابن<br>Tonekabon   | آمل<br>Amol            | ساری<br>Sari           | تنکابن<br>Tonekabon    | آمل<br>Amol           | ساری<br>Sari            |
| Replication         | تکرار            | 2             | 1103617.9 <sup>ns</sup> | 1273397.4*  | 152033.3 <sup>ns</sup> | 3320579.7**           | 166143.3 <sup>ns</sup> | 155350.9 <sup>ns</sup> | 1404099.7**            | 41512.3 <sup>ns</sup> | 121861.1 <sup>ns</sup>  |
| Genotypes           | ژنوتیپ           | 8             | 336841.1 <sup>ns</sup>  | 755213.8**  | 802325*                | 223623.6*             | 1173628.5**            | 1099053.7**            | 284527.5 <sup>ns</sup> | 1690368.1**           | 1110175.5 <sup>ns</sup> |
| Error               | اشتباه           | 16            | 266047.9                | 163241.4    | 303887.5               | 73859.9               | 220994.9               | 230436.3               | 122251.3               | 202644.6              | 843260                  |
| C.V. (%)            | (%) ضریب تغییرات | -             | 8.24                    | 7.13        | 10.01                  | 4.56                  | 8.24                   | 8.69                   | 5.73                   | 8.62                  | 15.07                   |

ns, \*, and \*\*: Not significant and significant at 0.05 and 0.01 probability level, respectively. ns, \*, and \*\*: به ترتیب غیر معنی دار و معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪

جدول ۳- تجزیه واریانس مرکب برای صفات مورد مطالعه در ژنوتیپ‌های برنج

Table 3. Combined analysis of variance for studied traits in rice genotypes

| Source of variation | منابع تغییرات    | درجه آزادی Df | میانگین مربعات MS               |                                  |                                  |  |                                 |  |   |  |
|---------------------|------------------|---------------|---------------------------------|----------------------------------|----------------------------------|--|---------------------------------|--|---|--|
|                     |                  |               | عملکرد دانه<br>Grain yield (GY) | تعداد پنجه<br>Tiller number (TN) | ارتفاع بوته<br>Plant height (PH) | وزن هزار دانه<br>Thousand grain weight (TGW) | طول خوشه<br>Panicle length (PL) | تعداد دانه پر در خوشه<br>Number of filled grain per panicle (NFGP) | تعداد کل دانه در خوشه<br>Number of total grain per panicle (NTGP) |  |
|                     |                  |               |                                 |                                  |                                  |  |                                 |  |   |  |
| Location (L)        | مکان             | 2             | 6915156.5 <sup>ns</sup>         | 57.6 <sup>ns</sup>               | 2926.8 <sup>ns</sup>             | 42.1 <sup>ns</sup>                           | 58.9 <sup>ns</sup>              | 386.3 <sup>ns</sup>  | 2011 <sup>ns</sup>  |  |
| Year (Y)            | سال              | 2             | 191203.3 <sup>ns</sup>          | 15.3 <sup>ns</sup>               | 531.4 <sup>ns</sup>              | 49.3 <sup>ns</sup>                           | 104.2 <sup>ns</sup>             | 2971.9 <sup>ns</sup>   | 4467.1 <sup>ns</sup>  |  |
| L×Y                 | سال×مکان         | 4             | 2587074.9 <sup>ns</sup>         | 59.6**                           | 485.5**                          | 9.4 <sup>ns</sup>                            | 35.9**                          | 379.2**  | 4348.2**  |  |
| R(L×Y)              | تکرار (سال×مکان) | 18            | 859844.1                        | 8.1                              | 112.7                            | 2.7  | 4.1                             | 251.16   | 754.4   |  |
| Genotypes (G)       | ژنوتیپ           | 8             | 3145489.1**                     | 54.5**                           | 294.1 <sup>ns</sup>              | 19.4 <sup>ns</sup>                           | 17.2**                          | 7375.2*  | 12497.6**   |  |
| G×L                 | ژنوتیپ×مکان      | 16            | 880217.5**                      | 2.8 <sup>ns</sup>                | 59.3 <sup>ns</sup>               | 2.1 <sup>ns</sup>                            | 1.8 <sup>ns</sup>               | 145.8 <sup>ns</sup>  | 241.8 <sup>ns</sup>   |  |
| G×Y                 | ژنوتیپ×سال       | 16            | 421731.5 <sup>ns</sup>          | 4.7 <sup>ns</sup>                | 82.1 <sup>ns</sup>               | 1.7 <sup>ns</sup>                            | 2.4 <sup>ns</sup>               | 132.1 <sup>ns</sup>  | 508.2 <sup>ns</sup>   |  |
| G×L×Y               | ژنوتیپ×مکان×سال  | 32            | 431592.4*                       | 3.4 <sup>ns</sup>                | 80.2**                           | 6.2**  | 2.6 <sup>ns</sup>               | 197.8 <sup>ns</sup>  | 333 <sup>ns</sup>   |  |
| Error               | اشتباه           | 144           | 269847.1                        | 2.4                              | 17.9                             | 1.4  | 1.4                             | 155.9  | 328.3   |  |
| C.V. (%)            | ضریب تغییرات (%) |               | 8.97                            | 8.8                              | 3.7                              | 4.1  | 3.9                             | 12.1   | 12.4  |  |

ns, \*, and \*\*: Not significant and significant at 0.05 and 0.01 probability level, respectively. ns, \*, and \*\*: به ترتیب غیر معنی دار و معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪

نشان داد که در سال اول در تنکابن و آمل، در سال دوم در آمل و در سال سوم در تنکابن و ساری بیشترین عملکرد دانه مربوط به ژنوتیپ شماره ۷ بود. در مجموع ژنوتیپ شماره ۷ در ۵ محیط حائز حداکثر عملکرد دانه بود. همچنین این ژنوتیپ در مجموع محیطها و بین ژنوتیپها در سال اول و تنکابن بیشترین میزان عملکرد (۶۷۹۸ کیلوگرم در هکتار) را به خود اختصاص داد. مقایسه میانگین عملکرد ژنوتیپها (جدول ۴) نشان داد که ژنوتیپهای ۶، ۷، ۸ و ۹ دارای بیشترین عملکرد نسبت به سایر ژنوتیپها در اکثر مکانها و سالها بودند. در مجموع، ژنوتیپهای ۶ و ۷ در بیشتر مکانها و سالها دارای عملکرد بیشتری نسبت به سایر ژنوتیپهای مورد آزمایش و ارقام شاهد بودند. از سوی دیگر جدول مذکور نشان داد که نه تنها ژنوتیپهای مورد آزمایش از نظر مقدار عملکرد در یک مکان متفاوت بودند، بلکه میانگین آنها در سالها و مکانهای مختلف نیز تغییر کرد. چنین واکنشهایی قبلاً نیز در برنج گزارش شده است (Mohaddesi *et al.*, 2013; Nahvi *et al.*, 1991). نتیجه فوق حاکی از این واقعیت است که بررسی عملکرد ارقام و انتخاب آنها بر اساس عملکرد در یک مکان نمی‌تواند دقیق و مقرون به واقعیت باشد و می‌بایست ارقام در سالها و مکانهای متعدد مورد ارزیابی قرار گرفته و میزان سازگاری و پایداری آنها مشخص گردد (Eberhart and Russell, 1966).

معنی دار بودن اثر متقابل ژنوتیپ × سال × مکان برای عملکرد دانه نشان می‌دهد که ژنوتیپها در واکنش به محیطها دارای نوساناتی بودند. از آنجا که تجزیه مرکب فقط اطلاعاتی در مورد وجود و یا عدم وجود اثر متقابل ژنوتیپ × محیط ارائه می‌دهد، لذا تجزیه پایداری برای شناسایی ژنوتیپهای پایدارتر سودمند خواهد بود. از این رو، تجزیه پایداری ژنوتیپها با استفاده از آماره‌های مورد نظر انجام پذیرفت (جدول ۵). پارامترهای پایداری واریانس و ضریب تغییرات محیطی نشان دادند که لاین شماره ۲ با داشتن کمترین مقدار ضریب تغییرات محیطی،

شیمیایی خاک، طول و عرض جغرافیایی و... نشان داده‌اند، که سبب تفاوت در میانگین عملکرد ژنوتیپها از یک مکان به مکان دیگر شده است. اثر متقابل ژنوتیپ × مکان × سال فقط برای عملکرد دانه، ارتفاع بوته و وزن هزاردانه معنی دار بود که نشانگر وجود تفاوت در میانگین ژنوتیپها از یک مکان به مکان دیگر و از یک سال به سال دیگر است، بطوری که عواملی مانند خواص فیزیکی و شیمیایی خاک، طول و عرض جغرافیایی و ... باعث اختلاف مکانها در سالهای مختلف شده‌اند. معنی دار بودن اثر متقابل سال × مکان برای صفات تعداد پنجه در بوته، ارتفاع دانه و طول خوشه نشان می‌دهد که عوامل جوی (میزان بارندگی، طول روز، حداقل و حداکثر دمای هوا و خاک) و همچنین عوامل جغرافیایی (خصوصیات فیزیکی و شیمیایی خاک، طول و عرض جغرافیایی، ارتفاع از سطح دریا) سبب اختلاف در میزان صفات فوق در ژنوتیپهای مورد مطالعه شده است. در تطابق با نتیجه تحقیق حاضر، رحیم‌سروش و ربیعی (Rahim Soroush and Rabiei, 2008)، الله‌قلی‌پور و همکاران (Allahgholipour *et al.*, 2006)، ترنگ و همکاران (Tarang *et al.*, 2013)، رحیم‌سروش و همکاران (Rahim Soroush *et al.*, 2007)، محدثی و همکاران (Mohaddesi *et al.*, 2013) پارمار و همکاران (Parmar *et al.*, 2016)، لستاری و همکاران (Lestari *et al.*, 2010)، مومنی‌زاده و همکاران (Momenyazadeh *et al.*, 2015)، سیهو و همکاران (Seyou *et al.*, 2016) و تورز و هنری (Torres and Henry, 2016) نیز اثرات متقابل دوجانبه و سه‌جانبه معنی دار مکان، سال و ژنوتیپ را برای عملکرد دانه در لاینها و ژنوتیپهای برنج گزارش کردند. با توجه به معنی دار بودن اثرات متقابل سه‌گانه و دوگانه برای عملکرد دانه، اقدام به مقایسه میانگینهای ژنوتیپها در هر کدام از محیطها به صورت جداگانه گردید (Montgomery., 2001). مقایسه میانگین عملکرد در محیطهای مختلف در جدول ۴ ارائه شده است. نتایج

جدول ۴- مقایسه میانگین عملکرد ژنوتیپ‌های برنج در سه مکان و سه سال (کیلوگرم در هکتار)

Table 4. Mean comparison of grain yield of rice genotypes in three locations and years (kg.ha<sup>-1</sup>)

| ژنوتیپ<br>Genotype | سال اول (First year) |             |              | سال دوم (Second year) |             |              | سال سوم (Third year) |             |              |
|--------------------|----------------------|-------------|--------------|-----------------------|-------------|--------------|----------------------|-------------|--------------|
|                    | تنکابن<br>Tonekabon  | آمل<br>Amol | ساری<br>Sari | تنکابن<br>Tonekabon   | آمل<br>Amol | ساری<br>Sari | تنکابن<br>Tonekabon  | آمل<br>Amol | ساری<br>Sari |
| 1                  | 6213.7ab             | 5823.3abc   | 5600.0ab     | 5753.3bc              | 5978.3ab    | 5083.3cde    | 6394.3ab             | 6123.7a     | 5355.7b      |
| 2                  | 6035.3ab             | 5859.0abc   | 5700.0ab     | 6084.7ab              | 5194.0bcd   | 5371.7bcde   | 5477.0c              | 5287.7bc    | 5681.0b      |
| 3                  | 6122.3ab             | 4902.3e     | 4566.7c      | 6130.0ab              | 5053.0cd    | 4783.3ed     | 6107.0ab             | 4172.3de    | 5444.7b      |
| 4                  | 6023.7ab             | 5120.0de    | 5000.0bc     | 5470.7c               | 5032.3d     | 4733.3e      | 5824.3bc             | 4069.7e     | 6412.3b      |
| 5                  | 5734.7b              | 5230.7cde   | 5083.3bc     | 6279.7a               | 4987.0d     | 5796.7abc    | 6114.7ab             | 4885.3cd    | 7275.3a      |
| 6                  | 6593.0ab             | 5899.0abc   | 5666.7ab     | 6251.3a               | 5901.3abc   | 6600.0a      | 6141.7ab             | 5410.7bc    | 5723.7ab     |
| 7                  | 6798.0a              | 6491.7a     | 5773.3ab     | 6108.7ab              | 6683.7a     | 5663.3bc     | 6516.3a              | 5439.7abc   | 6448.7ab     |
| 8                  | 6567.3ab             | 6045.7ab    | 6200.0a      | 5810.7abc             | 6145.7a     | 6053.3ab     | 6090.7ab             | 5754.0ab    | 6172.7ab     |
| 9                  | 3252.7ab             | 5635.3bcd   | 5950.0ab     | 5764.3bc              | 6280.0a     | 5613.3cd     | 6339.7ab             | 6110.0a     | 6333.0ab     |
| LSD (5%)           | 892.79               | 699.24      | 954.17       | 470.41                | 812.7       | 820.9        | 605.2                | 782.02      | 1589.5       |

LSD (5%): Least significant differences at 5% probability Level.

LSD(5%): حداقل اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال ۵٪

The columns having common letter(s), do not differ significantly at 5% probability level.

در هر ستون میانگین‌های دارای حروف مشابه در سطح احتمال ۵ درصد دارای اختلاف معنی‌دار نمی‌باشند.

جدول ۵- برخی از پارامترهای پایداری عملکرد دانه ژنوتیپ‌های برنج در سه مکان و سه سال

Table 5. Some of stability parameters of grain yield of rice genotypes in three locations and years

| ژنوتیپ<br>Genotype | میانگین عملکرد دانه (کیلوگرم در هکتار)<br>Grain yield mean (kg.ha <sup>-1</sup> ) | ضریب تغییرات محیطی<br>Environmental coefficient of variation (CV <sub>y/i</sub> ) | ضریب رگرسیون<br>Regression coefficient (b <sub>i</sub> ) | واریانس درون مکانی<br>Variance within location (M <sub>Sy/l</sub> ) |
|--------------------|---|---|--|---|
| 1                  | 5809.0  | 6.99  | 0.31 <sup>ns</sup>                                       | 124649.00   |
| 2                  | 5632.3  | 3.79  | 0.53 <sup>ns</sup>                                       | 184959.48   |
| 3                  | 5264.6  | 14.18   | 2.03**   | 212621.65   |
| 4                  | 5298.5  | 9.84  | 2.00**   | 821420.40   |
| 5                  | 5709.7  | 10.24   | 1.58 <sup>ns</sup>                                       | 906416.14   |
| 6                  | 6020.8  | 4.93  | 0.61 <sup>ns</sup>                                       | 272641.43   |
| 7                  | 6213.7  | 4.13  | 1.14 <sup>ns</sup>                                       | 499649.94   |
| 8                  | 6093.2  | 1.59  | 0.40 <sup>ns</sup>                                       | 129225.72   |
| 9                  | 6030.9  | 1.31  | 0.40 <sup>ns</sup>                                       | 225010.10   |

بیشترین پایداری عملکرد دانه را داشت. از نظر این شاخص، ژنوتیپ‌های ۷ و ۶ به ترتیب در رتبه‌های دوم و سوم قرار داشتند. بر اساس سه معیار ضریب رگرسیون ( $b_i$ )، میانگین عملکرد ژنوتیپ‌ها ( $\bar{g}$ ) و میانگین عملکرد کل ژنوتیپ‌ها ( $\bar{X}$ )، پایداری عملکرد ژنوتیپ‌های مورد مطالعه تعیین شد (Sharma, 1995). بر این اساس، ژنوتیپ‌های ۳، ۴ و ۵ با ضریب رگرسیون بیشتر از یک (به ترتیب برابر با ۲/۰۳، ۲ و ۱/۵۸) و میانگین عملکرد به ترتیب برابر با ۵۲۶۴/۶، ۵۲۹۸/۵ و ۵۷۰۹/۷ کیلوگرم در هکتار و کمتر از میانگین کل ژنوتیپ‌ها ( $\bar{X} = 5785/87$ )، ژنوتیپ‌های دارای پایداری کمتر از متوسط و با سازگاری خصوصی به محیط‌های نامساعد تشخیص داده شدند. ضرایب رگرسیون برای ژنوتیپ‌های ۲ و ۳ انحراف معنی‌داری نسبت به ۱ داشتند. ژنوتیپ ۲ دارای ضریب رگرسیون کمتر از یک ( $b_i = 0/53$ ) و میانگین عملکرد ( $\bar{g} = 5632/3$ ) کمتر از میانگین کل ژنوتیپ‌ها ( $\bar{X} = 5785/87$ ) بود، بنابراین عملکرد این لاین در محیط‌های مساعد متوسط، ولی در محیط‌های نامساعد کم بود. به عبارت دیگر، علی‌رغم تغییرات محیطی زیاد، عملکرد این لاین تغییرات کمی نشان می‌داد و حساسیت آن به محیط کم بود. ژنوتیپ ۷ با ضریب رگرسیون بیشتر از یک، اما غیر معنی‌دار ( $b_i = 1/14$ ) و میانگین عملکرد ( $\bar{g} = 6213/7$ ) بیشتر از میانگین کل ژنوتیپ‌ها جزء ارقام دارای پایداری کمتر از متوسط و با سازگاری خصوصی در محیط‌های مساعد تشخیص داده شد. ژنوتیپ‌های ۱ و ۶، به همراه دو رقم شاهد شامل لاین ۸۴۳ و شیرودی، دارای ضریب رگرسیون کمتر از یک (به ترتیب برابر با ۰/۳۱، ۰/۶۱، ۰/۴ و ۰/۴) و میانگین عملکرد (به ترتیب برابر با ۵۸۰۹، ۶۰۲۰/۸، ۶۰۹۳/۳، ۶۰۳۰/۹ کیلوگرم در هکتار) بیشتر از میانگین کل ژنوتیپ‌ها بودند، بنابراین پایداری آن‌ها بیشتر از متوسط بود، ولی به محیط‌های مساعد واکنش ضعیف نشان دادند. لین و بینز (Lin and Binns, 1991) عامل مکان را از محاسبات پایداری جدا کرده و واریانس بین سال‌ها را درون هر مکان محاسبه

نمودند و سپس از این واریانس‌ها میانگین گرفتند. در نتیجه میانگین واریانس‌های درون مکانی را به عنوان معیار پایداری مطرح نمودند. اعتقاد آن‌ها بر این بود که سال عامل غیرقابل کنترل است، نه مکان. بنابراین اظهار داشتند که ارقام را می‌بایست نسبت به نوسانات سالانه اندازه‌گیری نمود و از عامل مکان می‌توان فقط برای تعیین وسعت کشت واریته‌ها در مکان‌های مختلف استفاده نمود. آن‌ها همچنین واریانس درون مکانی را وراثت‌پذیر معرفی نمودند و ابراز داشتند که گزینش ژنوتیپ‌های پایدار بر اساس این پارامتر می‌تواند قابل اعتماد باشد. بنابراین بر اساس واریانس درون مکانی، ژنوتیپ ۱ دارای کمترین مقدار واریانس درون مکانی بوده و به عنوان ژنوتیپ پایدار شناخته شد. از نظر این شاخص، ژنوتیپ‌های ۲ و ۶ در رتبه‌های بعدی پایداری قرار داشتند. در مجموع، ژنوتیپ ۶ با میانگین عملکرد بالاتر از میانگین کل ( $\bar{g} = 6020/8$ )، ضریب رگرسیون کمتر از یک و غیر معنی‌دار ( $b_i = 0/61$ )، ضریب تغییرات محیطی پایین ( $4/93$ ) و واریانس درون مکانی پایین ( $272641/43$ ) از ژنوتیپ‌های پرمحصول با عملکرد پایدار بود. در تطابق با نتیجه تحقیق حاضر مبنی بر استفاده از ضریب تغییرات محیطی و واریانس درون مکانی پایین و ضریب رگرسیون معادل یک، محققین دیگری نیز با استفاده از پارامترهای فوق ژنوتیپ‌های پایدار برنج را شناسایی کردند (Rahim Soroush et al., 2007; Zaifzadeh et al., 2001; Honarnejad et al., 1998; Rahim Soroush, 2005; Nahvi et al., 2002; Abdullahi-Mobarhan, 1996; Mahalingam et al., 2013; Dushyantha Kumar et al., 2011; Parmar et al., 2016; Biswas et al., 2012; Sedghi-Azar et al., 2008; Mosavi et al., 2013; Dewi et al., 2014; Somsana et al., 2013). علاوه بر موارد فوق، رحیم سروش و اشراقی (Rahim Soroush and Eshraghi, 2006) با بررسی پایداری عملکرد لاین‌های برنج با استفاده از روش واریانس شوکلا و اکووالانس ریک، لاین شماره 1-2-168-IR67012 را به‌عنوان پایدارترین لاین معرفی کردند. در بررسی هشت ژنوتیپ برنج در آمریکا با استفاده از روش ضریب تغییرات محیطی، ژنوتیپ‌های Cypress و C1161 به ترتیب با دارا



لاین‌های ۱، ۲، ۳، ۴، ۵)، زودرسی بالاتر از شاهد‌ها و سایر لاین‌ها و تیپ دانه بهتر بود و می‌تواند به‌عنوان ژنوتیپ برتر انتخاب و در آزمایش‌های به‌زراعی مورد بررسی قرار گیرد. این ژنوتیپ همچنین با توجه به دارا بودن ارتفاع بوته متوسط، می‌تواند در به‌زادای جهت تولید ارقام پاکوتاه مورد استفاده قرار گیرد. از آنجا که ارقام پاکوتاه حساسیت کمتری به خوابیدگی از خود نشان می‌دهند و محصول آن‌ها کمتر از این طریق آسیب‌پذیر می‌باشد، اصلاح جهت تولید ارقام پاکوتاهی انجام می‌شود که ماده خشک بیشتری در دانه و مقدار کمتری در کاه و کلش ذخیره کنند (Dezful *et al.*, 1995). بنابراین ژنوتیپ‌های مورد بررسی در تحقیق حاضر، به خصوص لاین شماره ۶، از ژنوتیپ‌های پاکوتاه یا نیمه پاکوتاه و مقاوم به ورس و پر پنجه محسوب شده و خصوصیات زراعی آن در حد مطلوب می‌باشد.

نتایج تجزیه همبستگی ژنتیکی نشان داد که عملکرد دانه با صفات تعداد دانه پر و وزن هزار دانه دارای همبستگی ژنتیکی مثبت بود (جدول ۷). با توجه به اهمیت ژنوتیپ‌های پاکوتاه و مقابله با ورس، همچنین وجود رابطه منفی میان ارتفاع گیاه و عملکرد دانه، ژنوتیپ‌های مورد بررسی می‌توانند برای بهبود و اصلاح ارتفاع گیاه مناسب باشند. در تطابق با نتیجه تحقیق حاضر، الله‌قلی‌پور (Allahgholipour, 1997)، ساوانت و همکاران (Sawant *et al.*, 1995)، کیهویی (Kihupi, 1998)، پراکاش و پراکاش (Prakash and Prakash, 1995) همبستگی فنوتیپی و ژنتیکی مثبت و معنی‌دار عملکرد دانه را با تعداد دانه در خوشه گزارش نمودند. همچنین رحیم سروش و همکاران (Rahim Soroush *et al.*, 2004)، گرن‌فیلد و همکاران (Greenfield *et al.*, 1998)، مارتین و راسل (Martin and Russell, 1994) و محدثی (Mohaddesi, 2001) نشان دادند که عملکرد دانه با صفات تعداد دانه در خوشه و وزن هزار دانه همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت. بررسی‌های سونگ یانگ و همکاران (Song-Yong *et al.*, 1995) نیز نشان دادند که افزایش

بودن بیشترین عملکرد و کمترین ضریب تغییرات به‌عنوان ارقام پایدار معرفی شدند (Blanche and Linscombe, 2009). ترنگ و همکاران (Tarang *et al.*, 2013) با استفاده از تجزیه پایداری به روش‌های لین و بینز و AMMI نشان دادند که لاین‌های-1-2P-1-1-3-5-CT9807 (M-1 و IR2101-4-159-1-3-3) به‌دلیل داشتن ضریب تغییرات پایین و میانگین مربعات درون‌مکانی کوچک و کمترین فاصله نسبت به مبدأ مختصات در بردارهای تجزیه AMMI، پایدارترین لاین‌ها بودند.

با توجه به معنی‌دار نبودن اثرات متقابل دوگانه و سه‌گانه برای صفات تعداد پنجه، طول خوشه، تعداد دانه پر در خوشه و تعداد کل دانه در خوشه، اثرات اصلی ژنوتیپ برای این صفات بررسی شد و از این‌رو، میانگین‌های ژنوتیپ‌ها از نظر این صفات در مجموع محیط‌ها مقایسه شدند (جدول ۶). این نتایج نشان داد که بیشترین تعداد پنجه (۱۹/۰۷) مربوط به لاین ۸۴۳ بود. از نظر تعداد دانه پر و تعداد کل دانه لاین شماره ۶ نسبت به سایر ژنوتیپ‌ها برتری داشت و به‌تنهایی در یک گروه قرار گرفت. این نتایج همچنین نشان می‌داد که بیشترین وزن هزار دانه (۳۰/۴۴ گرم) و طول خوشه (۳۱/۸۱ سانتی‌متر) به ترتیب مربوط به ژنوتیپ‌های شماره ۷ و ۲ بود. حداکثر ارتفاع بوته مربوط به ژنوتیپ شماره ۵ و حداقل آن مربوط به رقم شاهد شیروودی بود. نتایج بررسی خصوصیات زراعی همچنین نشان داد که تمام ژنوتیپ‌های مورد آزمایش دارای ارتفاع بوته متوسط (۱۰۶/۳۳-۱۱۷/۴۱ سانتی‌متر)، طول خوشه بلند (۲۹/۲۲-۳۱/۸۱ سانتی‌متر)، وزن هزار دانه بالا (۲۷/۹۳-۳۰/۴۴ گرم)، تعداد پنجه کافی (۱۴/۶۳-۱۹/۰۷) و تعداد دانه پر زیاد (۸۵/۹۶-۱۳۹/۸۹) بودند. با وجود آنکه ژنوتیپ شماره ۷ دارای بیشترین عملکرد دانه بود، اما با توجه به نتایج تجزیه پایداری و سایر خصوصیات زراعی، لاین شماره ۶ که از نظر آماری با شاهد‌ها و ژنوتیپ شماره ۷ در یک سطح آماری قرار داشت، به‌عنوان ژنوتیپ برتر انتخاب شد. این ژنوتیپ دارای عملکرد دانه بیشتر از عملکرد سایر لاین‌ها

جدول ۶- مقایسه میانگین صفات زراعی ژنوتیپ‌های برنج در سه مکان و سه سال

Table 6. Mean comparison of agronomic traits of rice genotypes in three locations and years (kg ha<sup>-1</sup>)

| Genotype<br>ژنوتیپ | تعداد<br>پنجه<br>Number of Tillers | تعداد دانه پر در خوشه<br>Number of filled grains per<br>panicle | تعداد دانه در خوشه<br>Number of grains<br>per panicle | عملکرد دانه<br>Grain yield (kg.ha <sup>-1</sup> ) | ارتفاع بوته<br>Plant height (cm) | وزن هزار دانه<br>Thousand grain weight (g) | طول خوشه<br>Panicle length (cm) |
|--------------------|------------------------------------|---|---|---|----------------------------------|--|---------------------------------|
| 1                  | 17.81c                             | 91.59ef   | 129.44de  | 5809.0bc  | 106.33d                          | 30.22a                                     | 31.37ab                         |
| 2                  | 18.22bc                            | 87.22f  | 128.52e   | 5632.3c   | 113.44b                          | 28.67bcd                                   | 31.81a                          |
| 3                  | 17.85c                             | 111.0b  | 168.37b   | 5264.6d   | 115.56ab                         | 27.93e                                     | 31.11bc                         |
| 4                  | 19.02ab                            | 85.96f  | 138.56d   | 5298.5d   | 115.37ab                         | 29.11b                                     | 30.33d                          |
| 5                  | 18.37abc                           | 103.63cd  | 153.44c   | 5709.7c   | 117.41a                          | 28.81bcd                                   | 30.48cd                         |
| 6                  | 14.63e                             | 139.89a   | 191.56a   | 6020.8ab  | 114.26b                          | 29.89bc                                    | 30.00d                          |
| 7                  | 16.19d                             | 109.33bc  | 137.7e  | 6213.7a   | 114.89b                          | 30.44a                                     | 29.22e                          |
| 8                  | 17.85c                             | 107.37bc  | 132.7de   | 6093.3a   | 115.59ab                         | 28.41cde                                   | 30.3d                           |
| 9                  | 19.07a                             | 97.04de   | 132.37de  | 6030.9ab  | 110.93c                          | 28.19de                                    | 29.96d                          |
| LSD (5%)           | 0.84                               | 6.72  | 9.75  | 279.45  | 2.28                             | 0.64                                       | 0.64                            |

LSD (5%): Least significant differences at 5% probability Level.

LSD(5%): حداقل اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال ۵٪

The columns having common letter(s), do not differ significantly at 5% probability level.

در هر ستون میانگین‌های دارای حروف مشابه در سطح احتمال ۵ درصد دارای اختلاف معنی‌دار نمی‌باشند.

جدول ۷- ضرایب همبستگی ژنتیکی صفات مورد مطالعه در برنج

Table 7. Genetic correlation coefficients for rice studied traits

| صفات<br>Characters  | تعداد پنجه<br>Number of tiller s<br>(NT) | ارتفاع بوته<br>Plant height<br>t (PH) | وزن هزار دانه<br>Thousand grain weight<br>(TGW) | طول خوشه<br>Panicle length<br>(PL) | تعداد دانه پر در خوشه<br>Number of filled grain<br>per panicle (NFGP) | تعداد کل دانه در خوشه<br>Number of total grain per<br>panicle (NTGP) |
|---|--|---------------------------------------|---|------------------------------------|---|--|
| عملکرد دانه<br>Grain Yield (GY)                                 | -0.48                                    | -0.18                                 | 0.34  | -0.59                              | 0.39  | -0.11  |
| تعداد پنجه<br>Number of tillers (TN)                            | 1  | -0.08                                 | -0.33   | 0.37                               | -0.86**   | -0.65  |
| ارتفاع بوته<br>Plant Height (PH)                                |  | 1                                     | -0.38   | -0.32                              | 0.30  | 0.37   |
| وزن هزار دانه<br>Thousand Grain Weight (TGW)                    |  |                                       | 1   | -0.23                              | -0.10   | -0.26  |
| طول خوشه<br>Panicle Length                                      |  |                                       |   | 1                                  | -0.45   | -0.18  |
| تعداد دانه پر در خوشه<br>Number of Fill Grain per Plant (NFGP)  |  |                                       |   |                                    | 1   | 0.85**   |
| تعداد کل دانه در خوشه<br>Number of Total Grain per Plant (NTGP) |  |                                       |   |                                    |   | 1  |

ns, \*, and \*\*: Not significant and significant at 0.05 and 0.01 probability level, respectively.

ns, \*, and \*\*: به ترتیب غیر معنی‌دار و معنی‌دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪

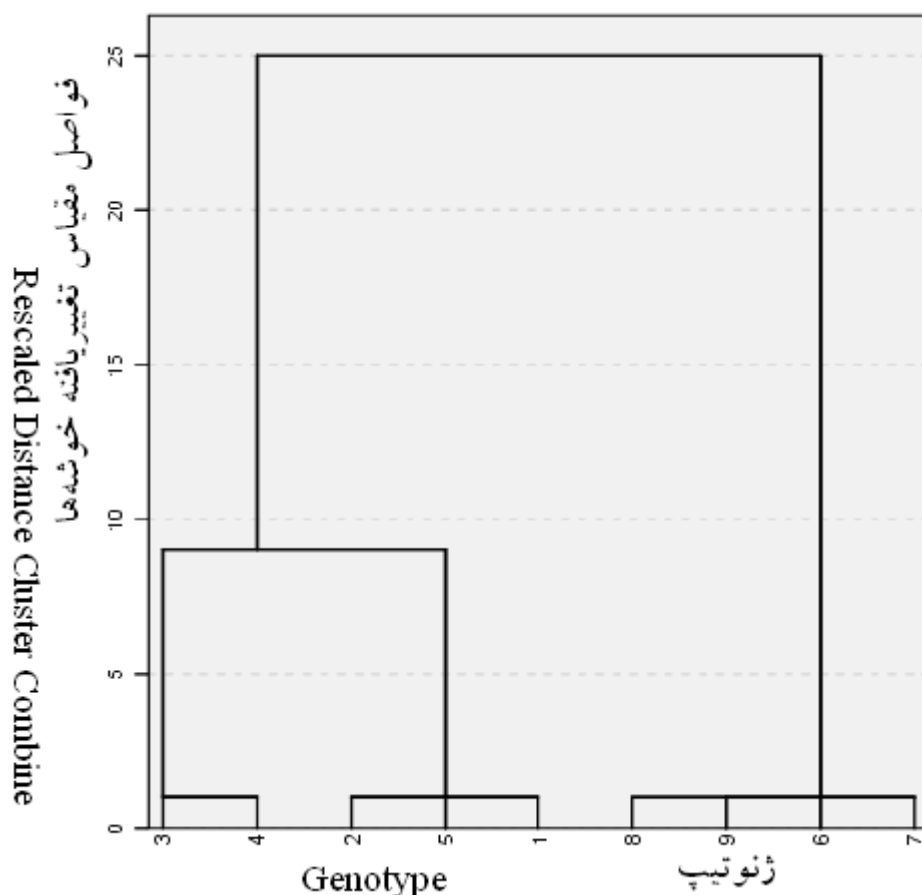
سنبلیچه‌های پر به همراه کاهش خوابیدگی بوته مهم‌ترین عامل افزایش عملکرد در برنج است.

دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه‌ای ۹ ژنوتیپ بر اساس صفات مورد مطالعه در شکل ۱ آمده است. تجزیه خوشه‌ای به روش وارد و معیار فاصله مربع اقلیدسی، لاین‌های برنج را در سه گروه تقسیم‌بندی کرده است. در خوشه شماره یک دو لاین شماره ۶ و ۷ و ارقام شاهد شیروودی و ۸۴۳ قرار گرفته است. در خوشه شماره دو، لاین‌های ۱، ۲ و ۵ قرار گرفتند. همچنین خوشه شماره سه، لاین‌های شماره ۳ و ۴ را به خود اختصاص دادند. بنابراین در برنامه‌های به‌نژادی با توجه به هدف اصلاحی موردنظر می‌توان از تنوع بین گروه‌ها و ژنوتیپ‌های موجود در این گروه‌ها استفاده نمود و با انجام تلاقی بین آن‌ها امکان دستیابی به ژنوتیپ‌های مطلوب‌تر از نظر عملکرد دانه و اجزاء عملکرد را فراهم نمود.

نتایج بررسی پارامترهای ژنتیکی در جدول ۸ ارائه شده است. برآورد اجزای وراثت‌پذیر و وراثت‌ناپذیر از کل تنوع برای اتخاذ برنامه اصلاحی مناسب ضروری است. جزء وراثت‌پذیر تنوع می‌تواند با مطالعه اجزایی از واریانس مانند ضریب تغییرات ژنوتیپی و فنوتیپی، وراثت‌پذیری و سود ژنتیکی مورد انتظار توضیح داده شود. تنوع ژنتیکی که اساسی‌ترین نیاز برای هر موفقیتی در برنامه اصلاحی یک گیاه زراعی می‌باشد، برای اغلب صفات در ژنوتیپ‌های مورد بررسی وجود داشت. چنین تنوع ژنتیکی توسط توهینا-خاتون و همکاران (Tuhina-Khatun et al., 2015)، اسلام و همکاران (Islam et al., 2016)، ماچونده (Machunde, 2013) و سینگ و همکاران (Singh et al., 2011) نیز برای صفات مشابه در برنج و صادق‌زاده اهری و همکاران (Sadeghzadeh Ahari et al., 2015) در گندم دوروم گزارش شده است. بالاترین میزان ضرایب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی برای صفت تعداد دانه پر در خوشه مشاهده شد. بالاترین میزان سود ژنتیکی بر میانگین نیز مربوط به صفت تعداد دانه پر در خوشه بود. در تطابق با این نتیجه، سینگ و همکاران

(Singh et al., 1990) تنوع ژنتیکی بالایی را برای صفت تعداد دانه در خوشه را در برنج گزارش نمودند و اظهار داشتند که هر نوع اختلال در زمان تشکیل و دوره‌ی پر شدن خوشه‌چه می‌تواند منجر به پوکی خوشه‌چه و در نهایت کاهش عملکرد گردد. ضریب تغییرات ژنوتیپی برای تشخیص تنوع واقعی یا ذاتی استفاده می‌شود که فقط بخش توارث‌پذیر صفات را نشان می‌دهد (Allard, 1960). در تحقیق حاضر صفاتی مانند تعداد دانه پر در خوشه و تعداد کل دانه در خوشه که مقادیر بالایی از ضریب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی را داشتند، بیشتر تحت کنترل عوامل ژنتیکی بودند. این نتایج همچنین در تطابق با یافته‌های عثمان و همکاران (Osman et al., 2012)، روکمینی دوی و همکاران (Rukmini Devi et al., 2016)، بیتو (Bitew, 2016) و توهینا-خاتون و همکاران (Tuhina-Khatun et al., 2015) می‌باشد که ضرایب تنوع ژنتیکی و فنوتیپی بالایی را برای تعداد دانه پر در خوشه گزارش کردند. برای صفات تعداد پنجه در بوته و عملکرد دانه، ضریب تغییرات فنوتیپی و ژنوتیپی متوسط بود، بنابراین، انتخاب این صفات بر پایه مقادیر فنوتیپی می‌تواند مؤثر باشد. در تطابق با این نتیجه، یاداو و همکاران (Yadav et al., 2008) ضریب تغییرات ژنوتیپی متوسط را برای تعداد پنجه در بوته و تعداد خوشچه‌ها در بوته و مقادیر پایین ضریب تغییرات ژنوتیپی را برای سایر صفات گزارش نمودند.

آگاهی از وراثت‌پذیری اصلاح‌گر را قادر می‌سازد تا در مورد روش اصلاحی مبتنی بر انتخاب تصمیم‌گیری کند. اما، مقادیر وراثت‌پذیری همراه با سود ژنتیکی می‌تواند بیشتر قابل اعتماد و در تنظیم کردن برنامه انتخاب مفید باشد (Johnson et al., 1955). در مطالعه حاضر، میزان وراثت‌پذیری عمومی دارای دامنه‌ای از ۰/۶ تا ۰/۴۹٪ (ارتفاع بوته) تا ۰/۴۸ تا ۰/۹۲٪ (تعداد دانه پر) بود. مقدار وراثت‌پذیری برای صفات تعداد پنجه در بوته، تعداد دانه پر در خوشه و تعداد کل دانه در خوشه بالا بود. این نتیجه در تطابق با یافته‌های حسینی و همکاران (Hosseini et al., 2005)،



شکل ۱- دندروگرام به دست آمده از تجزیه خوشه‌ای صفات مورد مطالعه بر اساس حداقل واریانس وارد. اسامی ژنوتیپ‌ها مشابه جدول ۱ است.

Figure 1. Dendrogram derived from studied traits using Ward's minimum variance  
The name of genotypes is similar to table 1.

جدول ۸- برآورد پارامترهای ژنتیکی در ژنوتیپ‌های مورد مطالعه برنج

Table 8. Estimation of genetic parameters in rice studied genotypes

| صفات<br>Characters   | وراثت‌پذیری<br>عمومی<br>Broad sense<br>heritability | ضریب تغییرات<br>فنوتیپی<br>Phenotypic<br>coefficient of<br>variability | ضریب تغییرات<br>ژنوتیپی<br>Genotypic<br>coefficient of<br>variability | سود<br>ژنتیکی<br>Genetic<br>advance | سود ژنتیکی بر<br>میانگین<br>Genetic advance<br>over mean |
|--|---|--|---|-------------------------------------|--|
| عملکرد دانه<br>Grain yield                                     | 59.96   | 6.48   | 5.02  | 463.05                              | 8.00   |
| تعداد پنجه<br>Number of tiller                                 | 82.38   | 8.53   | 7.74  | 2.56                                | 14.47  |
| ارتفاع بوته<br>Plant height                                    | 49.06   | 3.69   | 2.58  | 4.24                                | 3.72   |
| وزن هزار دانه<br>Thousand grain weight                         | 54.61   | 4.26   | 3.15  | 1.39                                | 4.79   |
| طول خوشه<br>Panicle length                                     | 66.28   | 3.04   | 2.47  | 1.27                                | 4.15   |
| تعداد دانه پر در خوشه<br>Number of filled grain per<br>panicle | 92.48   | 16.49  | 15.86   | 32.56                               | 31.41  |
| تعداد کل دانه در خوشه<br>Number of grains per<br>panicle       | 91.75   | 15.14  | 14.51   | 41.74                               | 28.62  |

پایدارتر انجام شد و نتایج نشان داد که ژنوتیپ شماره ۶ (Amo13 × (IR 67015-22-6-2-(A37632) × (Ramzanalitarom)) با دارا بودن عملکرد مطلوب (۶۰۲۰/۸ کیلوگرم در هکتار) و بالاتر از میانگین سایر ژنوتیپ‌ها و خصوصیات زراعی مطلوب نظیر تعداد دانه پر بیشتر، تیپ دانه بهتر، زودرسی، ارتفاع بوته متوسط و حساسیت کمتر به خوابیدگی به عنوان ژنوتیپ پرمحصول، پایدار و دارای خصوصیات مطلوب معرفی شد. نتایج تجزیه همبستگی نشان داد که عملکرد دانه با صفات تعداد دانه پر و وزن هزار دانه دارای همبستگی ژنتیکی مثبت بود. با توجه به اهمیت ژنوتیپ‌های پاکوتاه و مقابله با ورس، همچنین وجود رابطه منفی میان ارتفاع گیاه و عملکرد دانه، ژنوتیپ‌های مورد بررسی می‌توانند برای بهبود و اصلاح ارتفاع گیاه مناسب باشند. بنابراین در برنامه‌های به‌نژادی با توجه به هدف اصلاحی مورد نظر می‌توان از تنوع بین گروه‌ها و ژنوتیپ‌های موجود در این گروه‌ها استفاده نمود و با انجام تلاقی بین آن‌ها امکان دستیابی به ژنوتیپ‌های مطلوب‌تر از نظر عملکرد دانه و اجزای عملکرد را فراهم نمود. مقادیر بالای وراثت‌پذیری و سود ژنتیکی بر میانگین بیانگر تفوق اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل تعداد دانه پر در خوشه و تعداد کل دانه در خوشه بود. بنابراین با توجه به همبستگی ژنتیکی مثبت تعداد دانه پر در خوشه با عملکرد دانه و مقدار بالای وراثت‌پذیری توأم با سود ژنتیکی بالا بر میانگین برای تعداد دانه پر در خوشه، انتخاب بر پایه این صفت می‌تواند در بهبود عملکرد دانه مؤثر باشد.

شریفی و همکاران (Sharifi et al., 2010)، احمدی‌خواه (Ahmadikhah, 2010) و سوبای‌ها (Subbaiah, 2011) است. در تحقیق حاضر، مقدار بالای وراثت‌پذیری توأم با مقدار بالای سود ژنتیکی بر میانگین برای تعداد دانه پر در خوشه و تعداد کل دانه در خوشه مشاهده شد که نشانگر نقش کم اثرات محیطی در بیان این صفات و تفوق اثر افزایشی ژن در توارث آن‌ها می‌باشد. این نتیجه در تطابق با گزارش احمدی‌خواه (Ahmadikhah, 2010)، اسلام و همکاران (Islam et al., 2016)، روکمینی دوی و همکاران (Rukmini Devi et al., 2016) و بیتو (Bitew, 2016) است که مقدار بالای وراثت‌پذیری توأم با مقدار بالای سود ژنتیکی بر میانگین را برای صفات فوق گزارش کردند. وراثت‌پذیری تقریباً بالا و سود ژنتیکی پایین بر میانگین نشان‌دهنده وجود اثر غیر افزایشی ژن و نقش محیط در بیان سایر صفات می‌باشد (Panse, 1957).

نتایج تجزیه واریانس ساده و همچنین تجزیه مرکب داده‌ها نشان داد که اثر ژنوتیپ در اکثر محیط‌ها معنی‌دار بود که بیانگر اختلافات ژنتیکی بسیار معنی‌دار در میان ژنوتیپ‌ها بود و دامنه وسیعی از تنوع ژنتیکی برای تمام صفات مورد مطالعه را نشان می‌داد. تنوع ژنتیکی اساسی‌ترین نیاز برای هر موفقیتی در برنامه اصلاحی یک گیاه زراعی می‌باشد. معنی‌دار بودن اثر متقابل سال×مکان×ژنوتیپ حاکی از وجود تفاوت در میانگین ژنوتیپ‌ها از یک مکان به مکان دیگر و از یک سال به سال دیگر بود. با توجه به اینکه تجزیه مرکب فقط اطلاعاتی در مورد وجود و یا عدم وجود اثر متقابل ژنوتیپ×محیط ارائه می‌دهد، تجزیه پایداری برای شناسایی ژنوتیپ‌های

## References

- Abdullahi-Mobarhan, S.** (1996). Stability determination of advanced rice lines. M.Sc. Dissertation, Islamic Azad University of Karaj, Iran. (In Persian).
- Ahmadikhah, A.** (2010). Study on selection effect, genetic advance and genetic parameters in rice. *Annals of Biological Research*, **1(4)**: 45- 51.
- Akter, A., Hasan, M.J., Kulsum, M.U., Rahman, M.H., Paul, A.K., Lipi, L.F. and Akter, S.** (2015). Genotype × environment interaction and yield stability analysis in hybrid rice (*Oryza sativa* L.) by AMMI biplot. *Bangladesh Rice Journal*, **19(2)**: 83-90.
- Allahgholipour, M.** (1997). Study correlation of some of important traits in rice by path analysis. M.Sc thesis, Agriculture Faculty, University of Tehran, Tehran, Iran (In Persian).

- Allahgholipour, M., Mohammad Salehi, M.S., Ali, J.A., Nahvi, M., Padasht Dehkaei, F., Tvazo, M. and Mehregan, H.** (2006). Effect of genotype×environment interaction and yield stability in promising rice lines. *Iranian Journal of Agricultural Sciences*, **16(4)**: 51-58 (In Persian).
- Allard, R.W.** (1960). Principles of Plant Breeding. John Wiley and Sons, Inc., New York, USA.
- Anonymous** (2015). Export and import of agricultural productions in 2014- Ministry of Agriculture (Iran). Available in: <http://www.maj.ir/Portal/File/ShowFile.aspx?ID=885231a7-e0a4-4b69-b47a-96c3e4e5a67c>.
- Balestre, M., Dos Santos, V.B., Soares A.A. and Reis, M.S.** (2010). Stability and adaptability of upland rice genotypes. *Crop Breeding and Applied Biotechnology*, **10**: 357-363.
- Biswas, P.L., Nath, U.K., Ghosal, S. and Patwary, A.K.** (2012). Genotype-environment interaction and stability analysis of four fine rice varieties. *Journal of Bangladesh Agricultural University*, **10(1)**: 1-7.
- Bitew, J.M.** (2016). Estimation of genetic parameters, heritability and genetic advance for yield related traits in upland rice (*Oryza sativa* L. and *Oryza glaberrima* Steud) genotypes in northwestern Ethiopia. *World Scientific News*, **47(2)**: 340-350.
- Blanche, S.B. and Linscombe, S.D.** (2009). Stability of rice grain and whole kernel milling yield is affected by cultivar and date of planting. *Agronomy Journal*, **101**: 522-528.
- Dewi, A.K., Chozin, M.A., Triwidodo, H. and Aswidinnoor, H.** (2014). Genotype × environment interaction, and stability analysis in lowland rice promising genotypes. *International Journal of Agronomy and Agricultural Research*, **5(5)**: 74-84.
- Dezful, A., Kochaki, A. and Banayan Aval, M.** (1995). *Increase crop yield*. Jahad Daneshgahi Mashhad Publication, Mashhad, Iran (In Persian).
- Dushyanthakumar, B.M., Gangaprasad, S., Krishnamurthy, S.L. and Mallikarjunaiah, H.** (2011). Stability analysis of puttabatta rice mutants. *Karnataka Journal of Agriculture Science*, **24(4)**: 527-528
- Eberhart, S.A. and Russell, W.A.** (1966). Stability parameters for comparing varieties. *Crop Science*, **6**: 36-40.
- Falconer, D.S.** (1989). *Introduction to quantitative genetics. (Third Edition)*. Longman Scientific and Technical, New York, USA.
- Gravios, K.A., Moldenhar, A.K. and Rohman, P.C.** (1991). Genetic and genotype x environment effects for rough rice and head rice. *Crop Science*, **31**: 907-991.
- Greenfield, S.M., Fisher, K.S. and Dowling, N.G.** (1998). *Sustainability of rice in the global food system*. 1st. ed. Los Banos, Philippines.
- Hanson, C.H., Robinson, H.G. and Comstock, R.E.** (1956). Biometrical studies of yields in segregating population of Korean Lespedeza. *Agronomy Journal*, **48**: 268- 272.
- Honarnejad, R., Dorosti, H. and Mohamad Salehi, S.** (1998). Estimation of Stability and Adaptability of Rice Cultivars in Different Environmental Conditions. *Seed and Plant*, **13**: 32-38.
- Hosseini, M., Honarnejad, R. and Torang, A.R.** (2005). Estimation of gene effects and combining ability for some of quantitative traits in rice by diallel method. *Iranian Journal of Agriculture Science*, **36**: 21-32.
- Islam, M.Z., Khalequzzaman, M., Bashar, M.K., Ivy, N.A., Haque, M.M. and Mian, M.A.K.** (2016). Variability assessment of aromatic and fine rice germplasm in bangladesh based on quantitative traits. *The Scientific World Journal*, **1**:1-14.
- Johnson, H.W., Robinson, H.F. and Comstock, R.E.** (1955). Estimates of genetic and environmental variability in soybean. *Agronomy Journal*, **47**: 314-318.
- Juliano, B.O. and Perez, C.M.** (1984). Results of a corroborative test on the measurement of grain elongation of milled rice during cooking. *Journal of Cereal Science*, **2(4)**:281-292.
- Khatun, H., Islam, R., Anisuzzaman, M., Ahmed, H.U. and Haque, M.** (2015). GGE biplot analysis of genotype x environment interaction in rice (*Oryza sativa* L.) genotypes in Bangladesh. *Scientia Agriculturae*, **12(1)**: 34-39.
- Kihupi, A.L.** (1998). Inter-relationship between yield and some selected agronomic characters in rice. *African Crop Science Journal*, **6**: 323-328.

- Kocheiki, A.** (1997). Farming and breeding in dryland agriculture (translated). Mashhad University Press Jahad, Mashhad, Iran (In Persian).
- Lalbachan, V.** (1994). Analysis of genotype × environment interactions for yield in irrigated rice. College Laguna Journal of Philippines.
- Lestari, A.P., Abdullah, B., Junaedi, A. and Aswidinnoor, H.** (2010). Yield Stability and Adaptability of Aromatic New Plant Type (NPT) Rice Lines. *Journal of Agronomy, Indonesia*, **38**: 199-204.
- Lin, C.S. and Binns, M.R.** (1991). Genetic properties of four types of stability parameter. *Theoretical and Applied Genetics*, **82**: 505-509.
- Machunde, Z.A.** (2013). Variation and interrelationships among yield and yield components in lowland rice genotypes (*Oryza sativa* L.) in Mwanza region. MSc. Thesis. Sokoine University of Agriculture. Morogoro, Tanzania.
- Mahalingam, A., Saraswathi, R., Robin, S., Marimuthu, T., Jayaraj, T. and Ramalingam, J.** (2013). Genetics of stability and adaptability of rice hybrids (*Oryza sativa* L.) for grain quality traits. *African Journal of Agricultural Research*, **8(22)**: 2673-2680.
- Mahfoozi, S., Amini, A., Chaichi, M., Jasemi, S.S., Nazeri, M., Abedi Oskooie, M.S., Aminzadeh, G. and Rezaie, M.** (2009). Study on grain yield stability and adaptability of winter wheat genotypes using different stability indices under terminal drought stress conditions. *Seed and Plant Improvement Journal*, **25(1)**: 65-82 (In Persian).
- Maji, A.T., Bashir, M., Odoba, A., Gbanguba, A.U. and Audu, S.D.** (2015). Genotype × environment interaction and stability estimate for grain yield of upland rice genotypes in Nigeria. *Rice Research*, **3**:1-5.
- Martin, M.J., and Russell, W.A.** (1994). Correlated response of yield and other agronomic traits to recurrent selection for stalk quality in a maize synthetic. *Crop Science*, **24**: 746-750.
- Mohaddesi, A.** (2001). Study of effects on data planting, nitrogen fertilizer and plant density on yield and yield component in rice. M.Sc. Thesis. Islamic Azad University of Karaj, Iran (In Persian).
- Mohaddesi, A., Bakhshipour, S., Abbasian, A., Sattari, M., and Mohammad Salehi, M.** (2013). Study on adaptability, quality and quantity characters of rice genotypes in Mazandaran. *Journal of Plant Production*, **20(2)**: 19-36 (In Persian).
- Momenyadeh, T., Najafi Zarrini, H., Norouzi, M., and Nabipour, A.** (2015). Study of genotype×environment interaction in some pure lines of rice in Mazandaran province. *Journal of Crop Breeding*, **7**: 168-175 (In Persian).
- Montgomery, D.C.** (2001). *Design and analysis of experiments*. John Wiley and Sons, INC, New York, USA.
- Mosavi, A.A., Babaiean Jelodar, N. and Kazemitabar, K.** (2013). Environmental responses and stability analysis for grain yield of some rice genotypes. *World Applied Sciences Journal*, **21(1)**: 105-108.
- Nahvi, M., Allahgholipour, M. and Mohammadsalehi, M.** (2002). Study of adaptability and stability in rice in different regions of Guilan. *Plant and Seed Journal*, **1(18)**: 1-13 (In Persian).
- Nassir, A.L. and Alawode, Y.O.** (2016). Stability analysis of panicle and grain traits of rainfed upland rice in two tropical ecologies of Nigeria. *Pertanika Journal of Tropical Agriculture Science*, **39(4)**: 483-494.
- Osman, K. A., Mustafa, A. M., Ali, F., Yonglain, Z. and Fazhan, Q.** (2012). Genetic variability for yield and related attributes of upland rice genotypes in semi arid zone (Sudan). *African Journal of Agriculture Research*, **7**: 4613-4619.
- Panse, V.G.** (1957). Genetics of quantitative characters in relation to plant breeding. *Indian Journal of Genetics*, **17**: 318-328.
- Parmar, D.J., Motaka, G.N., Patel, J.S. and Patel, S.G.** (2016). Study on different stability procedures for yield of rice genotypes (*Oryza sativa* L.). *International Journal of Science, Environment and Technology*, **5(3)**: 1503-1514.
- Pawar, I.S. and Singh, S.** (2010). *Theory and Application of Biometrical Genetics*. CBS Publisher & Distributors P Ltd; 1st edition. New Delhi, IN.
- Prakash, S. and Prakash, B.G.** (1995). Path analysis in ratoon rice. *Rice Abstract*, **24**: 215-218
- Rahim Soroush, H.** (2005). Yield stability of promising rice genotypes (*Oryza sativa*). *Iranian Journal of Agricultural Sciences*, **7**: 112-122 (In Persian).

- Rahim Soroush, H. and Eshraghi, A.** (2006). Study of Stability and performance of the Rice Lines. *Iranian Journal of Agricultural Sciences*, **7**: 25-36 (In Persian).
- Rahim Soroush, H., and Rabiei, B.** (2008). Evaluation of yield stability of rice genotypes in different regions of Guilan Province. *Iranian Journal of Agricultural Sciences*, **18**: 105-114 (In Persian).
- Rahim Soroush, H., Mesbah, M., Hosseinzadeh, A. and Bozorgi Pour, R.** (2004). Genetic and phenotypic variability and cluster analysis for quantitative and qualitative traits of rice. *Seed and Plant Improvement*, **20(2)**: 167-182
- Rahim Soroush, H., Rabiei, B., Nahvie, M. and Ghodsi, M.** (2007). Study of some agronomic and qualitative traits and yield stability of rice genotypes. *Pajooheh va Sazandegi*, **75**: 25-32 (In Persian).
- Roy, D.** (2000). *Plant breeding analysis and exploitation of variation*. Alpha Science. Oxford, UK.
- Rukmini Devi, K., Parimala, K., Venkanna, V., Lingaiah, N., Hari, Y. and Satish Chandra, B.** (2016). Estimation of variability for grain yield and quality traits in rice (*Oryza sativa* L.). *International Journal of Pure Applied Bioscience*, **4(2)**: 250-255.
- Sadeghzadeh-Ahari, D., Sharifi, P., Karimizadeh, R. and Mohammadi, M.** (2015). Estimation of genetic parameters of morphological traits in rainfed durum wheat (*Triticum turgidum* L.) using diallel method. *Plant Genetic Researches*, **2(1)**: 45-62.
- Sawant, D.S., Patil, S.L., Jadhav, B.P. and Bhave, S.G.** (1995). Genetic divergence, character association and path analysis in rice. *Journal of Maharashtra Agricultural Universities*, **20(3)**: 412-414.
- Sedghi-Azar, M., Ranjbar, G.A., Rahimian, H. and Arefi, H.** (2008). Grain yield stability and adaptability study on rice (*Oryza sativa* L.) promising lines. *Journal of Agriculture and Social Science*, **4**: 27-30
- Seyou, M., Alamerew, S. and Bantte, K.** (2016). Stability analysis of grain yield in rice genotypes across environments of Jimma Zone, Western Ethiopia. *Journal of Cereals and Oilseeds*, **7(3)**: 27-33.
- Sharifi, P., Dehghani, H., Mumeni, A. and Moghaddam, M.** (2010). Estimation of genetic and genotype  $\times$  environment effects for some quantitative traits of rice. *Iranian Journal of Crop Science*, **42**: 1-13 (In Persian).
- Sharma, J.R.** (1995). *Statistical and biometrical techniques in plant breeding*. New Delhi, IN.
- Singh, R.B., Ram, P.C. and Singh, B.B.** (1990). Genetic variability in rice genotypes planted in sodic soil. *International Rice Research Newsletter*, **15**: 4,130.
- Singh, S.K., Singh, C.M. and Lal, G.M.** (2011). Assessment of genetic variability for yield and its component characters in rice (*Oryza sativa* L.). *Research of Plant Biology*, **1(4)**: 73-76.
- Somsana, P., Wattana, P., Suriharn, B. and Sanitchon, J.** 2013. Stability and genotype by environment interactions for grain anthocyanin content of Thai black glutinous upland rice (*Oryza sativa*). *SABRAO Journal of Breeding and Genetics*, **45(3)**: 523-532.
- Song-Yong, J., Ko-Bok, J., Hwang-Chang, J. and Park-Kon, H.** (1995). Effect of sowing rates on growth and yield at furrow sowing on rice in paddy field. *Korean Journal of Crop Science*, **40(1)**: 86-91.
- Subbaiah, P.V., Sekhar, M.R., Reddy, H.P. and Reddy, N.P.E.** (2011). Variability and genetic parameters for grain yield and its components and kernel quality attributes based rice hybrids (*Oryza sativa* L.). *International Journal of Applied Biology and Pharmaceutical Technology*, **2**: 3-20.
- Tarang, A., Hossieni Chaleshtary, M., Tolghilani, A. and Esfahani, M.** (2013). Evaluation of grain yield stability of pure lines of rice in Guilan province. *Iranian Journal of Crop Sciences*, **15(1)**: 24-34 (In Persian).
- Torres, R.O. and Henry, A.** (2016). Yield stability of selected rice breeding lines and donors across conditions of mild to moderately severe drought stress. *Field Crops Research*, <http://dx.doi.org/10.1016/j.fcr.2016.09.011>
- Tuhina-Khatun, M., Hanafi, M.M., Yusop, M.R., Wong, M.Y., Salleh, F.M. and Ferdous, J.** (2015). Genetic variation, heritability, and diversity analysis of upland rice (*Oryza sativa* L.) genotypes based on quantitative traits. *BioMed Research International*, **15**: 1-7.
- Yadav, P., Rangare, N.R., Anurag, P.J. and Chaurasia, A.K.** (2008). Quantitative analysis of rice (*Oryza sativa* L.) in Allahabad agro climate zone. *Journal of Rice Research*, **3**: 1-15.



- Yan, M.G., Zhao, Z.W., Yuan, X.C. and Lie, S.F.** (2002). Application of HSC procedure and stability parameters in rice regional trails. *Crop Research*, **16**: 17-28.
- Zaifizadeh, M., Moghadam, M., Akbari, A., Ghasemi, M., Mahfozi, S. and Mohammadi, A.** (2001). Study on stability analysis parameters and selection wheat genotypes on northern warm climate. *Agronomy Journal*, **7**: 43-51.

## Evaluation of Genotype × Environment Interactions, Stability and a number of Genetic Parameters in Rice Genotypes

Peyman Sharifi\* and Hashem Aminpanah

Associate Professor, Department of Agronomy and Plant Breeding, Rasht Branch, Islamic Azad University, Rasht, Iran

(Received: April 19, 2016 – Accepted: August 11, 2016)

### Abstract

In order to investigate yield stability, genotype×environment interactions and estimation of a number of genetic parameters related to yield and yield components, seven promising rice lines together with Shirodi and line 843 (as control cultivars) were evaluated. The experiment was carried out base on randomized complete block design with three replications in three locations of Mazandaran province, Iran (Tonekabon, Amol and Sari) during three growing seasons from 2012 to 2014. Analysis of variance revealed that there were significant differences among genotypes for yield at almost all three locations. Combined analysis of variance indicated that there were no significant differences among locations and years, whereas year×location×genotype interaction was found significant for grain yield, plant height and thousand grain weight. Results of stability analysis by univariate methods showed that genotype number 6 was the most stable genotype over all three locations, having less variance within locations and smaller coefficients of variance and a high grain yield (6020.8 kg ha<sup>-1</sup>). The high coefficient of phenotypic and genotypic variation was indicative to genetic variability for all of the studied traits. The broad-sense heritability ranged from 49.06% (plant height) to 92.48% (number of filled grain per panicle) and was 59.46% for grain yield. The highest phenotypic and genotypic coefficients of variation and genetic gain over total average obtained for the number of grains per panicle. Thus, it is possible to improve this trait by selection method and could be used as a selection index to improve grain yield. Overall, genotype number 6 could be considered as a superior genotype to achieve a dwarf cultivar with stable yield.

**Keywords:** Genetic effect, Genotype × environment interaction, Yield stability, Genetic advance, Heritability

---

\* Corresponding Author, E-mail: sharifi@iaurasht.ac.ir